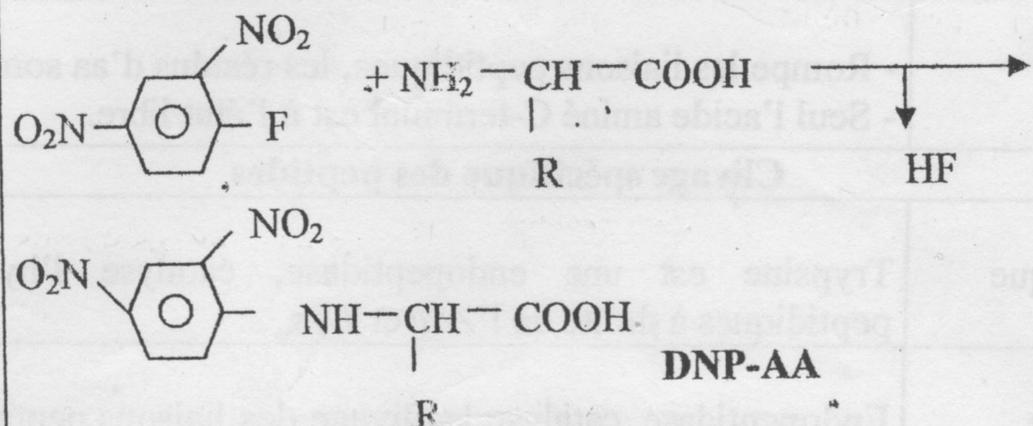
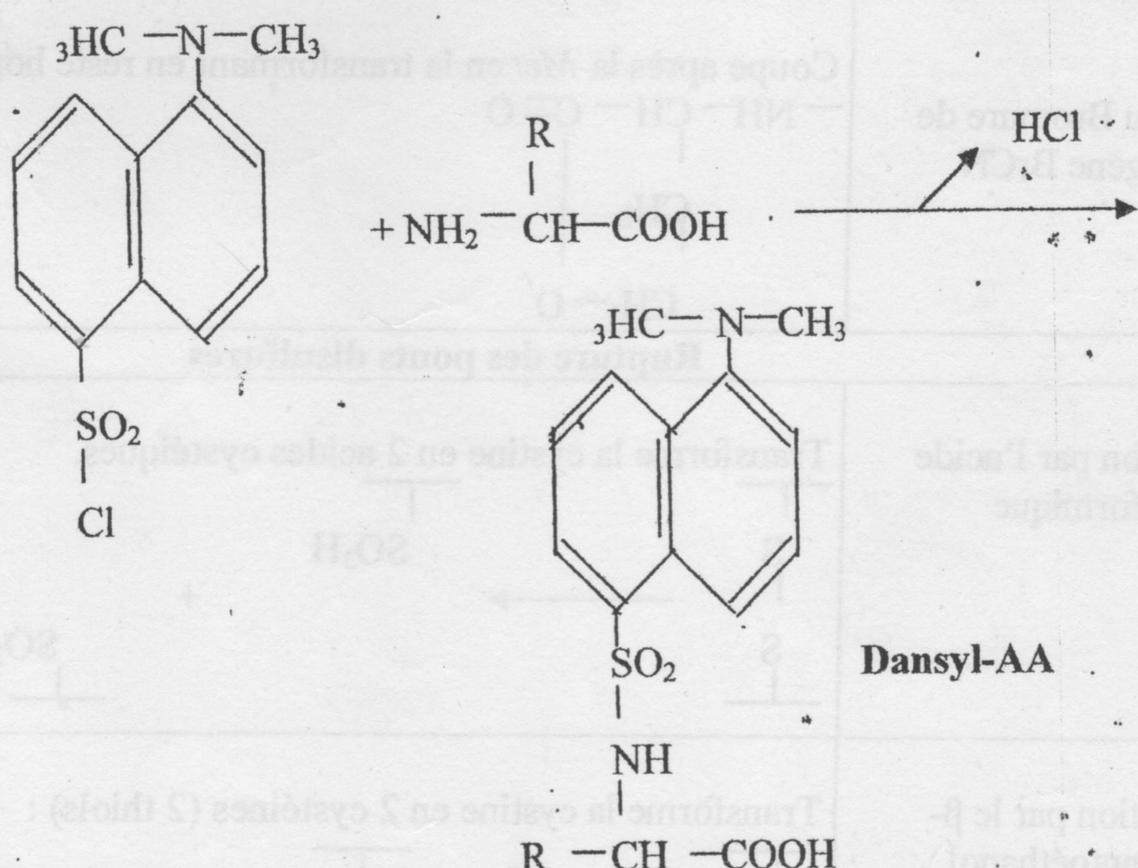


METHODES DE SEQUENCAGE D'UN PEPTIDE

ME BENSALUA.T.L

METHODES	REACTIONS
Composition en acides aminés	
Hydrolyse chlorhydrique totale concentrée à chaud.	<ul style="list-style-type: none"> - Rupture des liaisons peptidiques (donne la séquence en acides aminés) - Trp est détruit - Gln et Asn perdent leur amine du leur groupement amide, on distingue Glx et Asx.
Hydrolyse chlorhydrique partielle	- Clive au hasard les liaisons peptidiques donnant de petits peptides chevauchants.
Détermination du reste N-terminal ou de la séquence N-terminale	
SANGER au 2-4DNFB (1-Fluoro,2-4-dinitrobenzene)	<p>- Se fixe sur l'acide aminé N-terminal (qui porte une fonction NH₂ libre)</p> <p>-Après hydrolyse au HCl, tous les acides aminés sont libres et l'acide aminé N-terminal est sous forme de DNP-AA (dinitrophényl-AA)</p> <div style="text-align: center;">  <p style="text-align: center;">DNP-AA</p> </div>
Chlorure de dansyle (Chlorure de l'acide 1-diméthylaminonaphtalène,5-sulfate)	<p>- Forme avec l'acide aminé N-terminal un dérivé dansylé qui se libère après hydrolyse sous forme de Dansyl-AA, dosé par fluorescence.</p> <div style="text-align: center;">  <p style="text-align: center;">Dansyl-AA</p> </div>